

1. Sample Requirement

sequence application		sample type	amount	concentration	quality control requirement
RNA-Seq (with Library Preparation)	polyA-selected	total RNA	> 1 µg	> 25 ng/µl	RIN > 8.0
	rRNA-removed		1~5 µg	> 250 ng/µl	
Other (without Library Preparation)		Library DNA	> 25 µl	1 nM	Quantification with qPCR and Size-check with TapeStation or BioAnalyzer

\*ChIP-Seq, 微量RNA-Seq など、その他のアプリケーションについてはご相談ください。

2. Charge

(1) Library Preparation

application	price/sample
RNA-Seq (polyA-selected)	15,000
RNA-Seq (rRNA-removed)	30,000

\*RNAのQC費用を含む

(2) Quality Check (qPCR + TapeStation)

\*サンプル数や相乗り状況によって変動します

price/set
5,000~15,000

(3) Sequence

run type(sequence kit)	ownership	price/run
High Output : 75 Cycles	LILA	240,000
High Output : 150 Cycles	LILA	450,000
Mid Output : 150 Cycles	LILA	170,000
All type	Applicant	0

\*シーケンスキットについて:LILAでは原則として持ち込みラボ名義での長期保管はしません。キット持ち込みの場合は、実際の依頼の際にその都度サンプルと一緒に持ち込んで下さい。もしくは、複数購入時にそのままこちらに納品する場合(かつ、しばらく依頼予定がない場合は、LILAの共有キットとして保管し、古いものから順に使用していきます。

(4) Maintenance

\*相乗りの場合はサンプル数に応じて配分

price/run
40,000

\*年間10run以降は ¥ 10,000/run

(5) Analysis

price/set
0

Basic analysis method

RNA-Seq	Data QC → Mapping → Gene expression analysis
ChIP-Seq	Data QC → Mapping → Peak call → Annotation

3. Sequence Performance of NextSeq 500

Flow Cell	Read Length(bp)	Total Reads/run
High Output	75 x 1	400 M
	75 x 2 (paired-end)	400 M x 2
	150 x 2 (paired-end)	400 M x 2
Mid Output	75 x 2 (paired-end)	130 M x 2
	150 x 2 (paired-end)	130 M x 2

\*シーケンスデータ返却後のデータ紛失に関しては、LILAは一切の責任を負いません。  
 シーケンスラン後の出力ファイルであるRun Files(Raw Data)、Fastq Dataは、原則としてランから1年経過時に削除します。  
 必ず依頼者ご自身でのデータ保管をお願いします。