

**高速シーケンサー支援案内**  
発生医学研究所リエゾンラボ研究推進施設(LILA)

Jul, 2019

**1. Sample Requirement**

sequence application		sample type	amount	concentration	quality control requirement
RNA-Seq (with Library Preparation)	polyA-selected	total RNA	> 1µg	> 25 ng/µl	RIN > 8.0
	rRNA-removed		1~5 µg	> 250 ng/µl	
Other (without Library Preparation)		Library DNA	> 25 µl	1 nM	Quantification with qPCR and Size-check with TapeStation or BioAnalyzer

\*ChIP-Seq, 微量RNA-Seq など、その他のアプリケーションについてはご相談ください。

**2. Charge**

**(1) Library Preparation**

application	price/sample	*RNAのQC費用を含む
RNA-Seq (polyA-selected)	15,000	
RNA-Seq (rRNA-removed)	30,000	

**(2) Quality Check (qPCR + TapeStation)**

\*サンプル数や相乗り状況によって変動します

price/set
5,000~15,000

**(3) Sequence**

run type(sequence kit)	ownership	price/run
High Output : 75 Cycles	LILA	220,000
High Output : 150 Cycles	LILA	450,000
Mid Output : 150 Cycles	LILA	170,000
All type	Applicant	0

\*シーケンスキットについて:LILAでは原則として持ち込みラボ名義での長期保管はしません。キット持ち込みの場合は、実際の依頼際にその都度サンプルと一緒に持ち込んで下さい。もしくは、複数購入時にそのままこちらに納品する場合(かつ、しばらく依頼予定がない場合)は、LILAの共有キットとして保管し、古いものから順に使用していきます。

**(4) Maintenance**

\*相乗りの場合はサンプル数に応じて配分

price/run	*年間10run以降は￥10,000/run
40,000	

**(5) Analysis**

**Basic analysis method**

price/set	RNA-Seq	Data QC → Mapping → Gene expression analysis
0	ChIP-Seq	Data QC → Mapping → Peak call → Annotation

**3. Sequence Performance of NextSeq 500**

Flow Cell	Read Length(bp)	Total Reads/run
High Output	75 x 1	400 M
	75 x 2 (paired-end)	400 M x 2
	150 x 2 (paired-end)	400 M x 2
Mid Output	75 x 2 (paired-end)	130 M x 2
	150 x 2 (paired-end)	130 M x 2

\*シーケンスデータ返却後のデータ紛失に関しては、LILAは一切の責任を負いません。

シーケンスラン後の出力ファイルであるRun Files(Raw Data)、Fastq Dataは、原則としてランから1年経過時に削除します。  
必ず依頼者ご自身でのデータ保管をお願いします。