

1. Sample Requirement

sequence application		sample type	amount	concentration	quality control requirement
RNA-Seq (with Library Preparation)	polyA-selected	total RNA	> 1µg	> 25 ng/µl	RIN > 8.0
	rRNA-removed		1~5 µg	> 250 ng/µl	
Other (without Library Preparation)		Library DNA	> 25 µl	1 nM	Quantification with qPCR and Size-check with TapeStation or BioAnalyzer

2. Charge

(1) Library Preparation

application	price/sample
RNA-Seq (polyA-selected)	15,000
RNA-Seq (rRNA-removed)	30,000

(2) Sequence

run type(sequence kit)	ownership	price/run
High Output : 75 Cycles	LILA	220,000
High Output : 150 Cycles	LILA	450,000
All type	Applicant	0

\*シーケンスキットについて:LILAでは原則として持ち込みラボ名義での長期保管はしません。キット持ち込みの場合は、実際の依頼の際にその都度サンプルと一緒に持ち込んで下さい。もしくは、複数購入時にそのままこちらに納品する場合(かつ、しばらく依頼予定がない場合は、LILAの共有キットとして保管し、古いものから順に使用していきます。

(3) Quality Check (qPCR + TapeStation)

\*サンプル数や相乗り状況によって変動します

price/set
5,000~15,000

(4) Maintenance

\*相乗りの場合はサンプル数に応じて配分

price/run
40,000

\*年間10run以降は¥10,000/run

(5) Analysis

price/set
0

Basic analysis method

RNA-Seq	Data QC → Mapping → Gene expression analysis
ChIP-Seq	Data QC → Mapping → Peak call → Annotation

3. Sequence Performance of NextSeq 500

Flow Cell	Read Length(bp)	Total Reads/run
High Output	75 x 1	400 M
	75 x 2 (paired-end)	400 M x 2
	150 x 2 (paired-end)	400 M x 2
Mid Output	75 x 2 (paired-end)	130 M x 2